## 2° POSTER

## ID: 181 - Un nuovo 2nd tier test per migliorare il valore predittivo positivo per sospetto di VLCADD nel Programma di Screening Neonatale Esteso

Michela Perrone Donnorso1, Michela Cassanello2, Luisella Alberti3, Elvira Sondo2, Andrea Mascagni1, Francesca Nastasia Perri4, ConcettaAloi5, Alessandro Salina5, Cristina Cereda6, Maria Cristina Schiaffino 4, Mohamad Maghnie1

1 LABSIEM – UOC Clinica Pediatrica e Endocrinologia, DINOGMI-UNIGE, IRCCS Istituto Giannina Gaslini, Genova, Italia, 2 UOS Biochimica, Farmacologia e Screening Neonatale - UOC Laboratorio Centrale di Analisi - IRCCS Istituto G. Gaslini, 3 SC Laboratorio Analisi, ASST Ovest Milanese, Milano, Italia, 4 UOC Clinica Pediatrica e Endocrinologia, IRCCS Istituto Giannina Gaslini, Genova, Italia., 5 LABSIEM— UOC Clinica Pediatrica e Endocrinologia, IRCCS Istituto Giannina Gaslini, Genova, Italia, 6 Genomica Funzionale e Malattie Rare, Ospedale dei Bambini V. Buzzi, Milano, Italia

Introduzione. Il Deficit di Acil-CoA deidrogenasi a catena molto lunga (VLCADD) è una malattia ereditaria rara dovuta a varianti bialleliche del gene ACADVL, causative di disfunzione mitocondriale della  $\beta$ -ossidazione degli acidi grassi. Il test di screening per VLCADD viene eseguito di routine mediante l'analisi del profillo delle Acilcarnitine (AC) in flow Injection e spettrometria di massa tandem (FIA-MS/MS). Nel campione di sangue essiccato neonatale (DBS), è misurato l'incremento della tetradecenoilcarnitina (C14:1), insieme ad altre AC a catena lunga (C14:2, C14 e C12:1) e dei rapporti molari (C14:1/C2, C14:1/C16, C14:1/C12:1). Tuttavia, le stesse alterazioni sono riscontrate anche nel deficit multiplo diacil-CoA deidrogenasi (MADD), nei difetti congeniti del trasporto/metabolismo della riboflavina (B2) e a causa di diversi altri fattori, anche fisiologici, che possono produrre un numero di risultati falsi positivi non trascurabile. Le strategie applicate per la diagnosi differenziale e per ridurre i richiami evitabili sono diverse e comprendono anche l'uso di tools post-analitici. Tuttavia, l'aumento del valore predittivo positivo (PPV%) è ancora una sfida.

**Metodi.** A tale scopo, abbiamo sviluppato un test di seconda istanza (2nd tier test o 2TT) multiplex in cromatografia liquida e spettrometria di massa (LC-MS/MS) per il dosaggio veloce di biomarcatori specifici, utili per la valutazione di fenotipi biochimici MADD e MADD-like (difetti ereditari/nutrizionali di B2), VLCADD e di stati associati alla chetosi. Il metodo consente anche la risoluzione degli isomeri della C14:1, il cui profilo è risultato, dalla nostra osservazione, un promettente indicatore di VLCADD.

**Risultati.** Tale approccio, basato anche sull'utilizzo di un algoritmo post-analitico appositamente studiato, è stato applicato all'analisi, in alcuni casi retrospettiva, di 100 presunti positivi per VLCADD/MADD su un totale di 10.000 neonati analizzati, permettendo l'identificazione di 10 VLCADD e 2 MADD.

Link alla sessione poster: https://congressosimmesn.it/poster\_edit.php